

Nuero de Prueba	Código de Laboratorio	Identificación del análisis	Precio intramural(€)	Servicio externo(€)
1	TEBC_1	Extracción de DNA de parafina	50	60
2	TEBC_2	Extracción de RNA de parafina	60	78
3	TEBC_3	Extracción de DNA de exosomas de explantes	100	120
4	TEBC_4	Extracción de RNA de exosomas de explantes	120	144
5	TEBC_5	Extracción de DNA de exosomas de plasma	100	120
6	TEBC_6	Extracción de RNA de exosomas de plasma	120	144
7	TEBC_7	Estudio de metilación del gen MGMT en parafina por MSP	350	420
8	TEBC_8	Estudio de metilación del gen MGMT en parafina por qMSP	370	444
9	TEBC_9	Estudio de metilación del gen MGMT en sangre	400	480
10	TEBC_10	Estudio de metilación del gen IGFBP3 en parafina por MSP	350	420
11	TEBC_11	Estudio de metilación del gen IGFBP3 en parafina por qMSP	370	444
12	TEBC_12	Estudio de metilación del gen IGBP3 en sangre	400	480
13	TEBC_13	Análisis de la expresión génica a determinar junto con un endógeno	250	300
14	TEBC_14	Análisis bioinformático del metiloma por arrays	500	600
15	TEBC_15	Análisis bioinformático del metiloma por arrays: diseño experimental	100	120
16	TEBC_16	Análisis bioinformático del metiloma por arrays: control de calidad	100	120
17	TEBC_17	Análisis bioinformático del metiloma por arrays: análisis de posiciones/regiones diferencialmente metiladas	200	240
18	TEBC_18	Análisis bioinformático del metiloma por arrays: análisis exploratorio y anotación funcional	200	240
19	TEBC_19	Análisis bioinformático del metiloma por NGS	500	600
20	TEBC_20	Análisis bioinformático del metiloma por NGS: diseño experimental	100	120
21	TEBC_21	Análisis bioinformático del metiloma por NGS: control de calidad	100	120
22	TEBC_22	Análisis bioinformático del metiloma por NGS: análisis de posiciones/regiones diferencialmente metiladas	200	240
23	TEBC_23	Análisis bioinformático del metiloma por NGS: análisis exploratorio y anotación funcional	200	240
24	TEBC_24	Análisis del perfil genómico del tumor con TruSight Oncology 500 (ADN+ARN): variantes en número de copias (CNVs), fusiones, inserciones-delecciones (indels), variantes de un solo nucleótido (SNV), variantes de splicing, inestabilidad de microsatélites (MSI) y carga mutacional (TMB)	800	960
25	TEBC_25	Análisis del perfil genómico del tumor con TruSight Oncology 500 (ADN): variantes en número de copias (CNVs), inserciones-delecciones (indels), variantes de un solo nucleótido (SNV), inestabilidad de microsatélites (MSI) y carga mutacional (TMB)	600	720
26	TEBC_26	Análisis del perfil genómico del tumor con TruSight Oncology 500 (ARN): fusiones y variantes de splicing	400	480
27	TEBC_27	Análisis bioinformático de librerías de cribado genómico funcional con CRISPR-Cas9 (Functional genomic screening CRISPR-Cas9)	500	600
28	TEBC_28	Análisis bioinformático de librerías de cribado genómico funcional con CRISPR-Cas9 (Functional genomic screening CRISPR-Cas9): control de calidad	200	240
29	TEBC_29	Análisis bioinformático de librerías de cribado genómico funcional con CRISPR-Cas9 (Functional genomic screening CRISPR-Cas9): filtrado y análisis	300	360
30	TEBC_30	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq)	600	720
31	TEBC_31	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): diseño experimental	100	120
32	TEBC_32	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): control de calidad	100	120
33	TEBC_33	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): cuantificación de la expresión a nivel de gen e isoforma	200	240
34	TEBC_34	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): expresión diferencial a nivel de gen e isoforma	200	240
35	TEBC_35	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): enriquecimiento e interacciones	200	240
36	TEBC_36	Análisis bioinformático del perfil transcripcional (RNAseq): análisis de variantes en transcriptoma	200	240
37	TEBC_37	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq)	600	720
38	TEBC_38	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): diseño experimental	100	120
39	TEBC_39	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): control de calidad	100	120
40	TEBC_40	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): cuantificación de la expresión	200	240
41	TEBC_41	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): expresión diferencial	200	240
42	TEBC_42	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): enriquecimiento e interacciones	200	240
43	TEBC_43	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): análisis de variantes en transcriptoma	200	240
44	TEBC_44	Análisis bioinformático del perfil transcripcional del los microARNs (miRNAseq): predicción de novo	400	480
45	TEBC_45	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq)	600	720
46	TEBC_46	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): diseño experimental	100	120

<b>Nuero de Prueba</b>	<b>Código de Laboratorio</b>	<b>Identificación del análisis</b>	<b>Precio intramural(€)</b>	<b>Servicio externo(€)</b>
47	TEBC_47	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): control de calidad	100	120
48	TEBC_48	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): cuantificación de la expresión a nivel de gen e isoforma	200	240
49	TEBC_49	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): expresión diferencial a nivel de gen e isoforma	200	240
50	TEBC_50	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): enriquecimiento e interacciones	200	240
51	TEBC_51	Análisis bioinformático del perfil transcripcional total (totalRNAseq): análisis de variantes en transcriptoma	200	240