

2007-2017



Hospital Universitario La Paz
Hospital de Cantoblanco
Hospital Carlos III
Comunidad de Madrid

IdiPAZ
Instituto de Investigación
Hospital Universitario La Paz

ciberer



INGEMM

3.- Análisis Bioinformático de Datos de Secuenciación Masiva Aplicado al Entorno Clínico y de Investigación.

Fecha: 20 y 21 de noviembre 2017

Lugar: INGEMM

Directores del Curso: Dres. Ángela del Pozo y Pablo Lapunzina



Contacto y Preinscripción: angela.pozo@salud.madrid.org (PLAZAS LIMITADAS; 15) se requiere breve CV.

Objetivo del curso: El curso está diseñado para dar una formación clara y práctica sobre aspectos del análisis bioinformático en la secuenciación masiva y cuya necesidad surge en profesionales de la salud e investigadores que abordan estudios en el entorno clínico tanto para diagnóstico como investigación.

El curso consta de dos bloques teóricos y uno práctico en el que los alumnos podrán familiarizarse a nivel de usuario con los programas más usados actualmente en la bioinformática.

Público al que va dirigido: personal médico y sanitario e investigadores en áreas aplicadas en la salud.

Coste: 400 euros

Forma de Pago: Para el pago del curso deberá descargarse de la página web www.idipaz.es el boletín de inscripción y enviar el mismo cumplimentado a: cursos.donaciones.idipaz@gmail.com

En dicho boletín figura el número de cuenta bancaria al que deben hacerse las transferencias para la inscripción. Se debe hacer constar el curso seleccionado, así como el nombre del participante.

TEMARIO:

Módulo I: La secuenciación masiva (NGS) y el proceso de análisis de datos (20 de Noviembre)

Este módulo tiene como objetivo introducir la técnica de secuenciación masiva a la audiencia y explicar las fases del análisis bioinformático que se tienen que llevar a cabo para generar un estudio completo de cada muestra. Así mismo, se abordan cuestiones referentes al control de calidad de datos y su implicación en el diagnóstico.

Módulo II: Prácticas en el análisis de datos bioinformáticos (21 de Noviembre - mañana)

Este módulo se centrará en un caso práctico en el que los alumnos analizarán de forma completa una muestra caracterizada de antemano. Los alumnos tendrán que responder a unas cuestiones planteadas como conclusión al estudio de dicha muestra.

Módulo III: Aplicaciones del análisis bioinformático en las áreas de salud (21 de Noviembre - tarde)

Este módulo pretende abordar algunas de las aplicaciones de las técnicas de secuenciación masiva que se están llevando a cabo en diversas áreas de la salud. Se abordarán estudios de transcriptómica, epigenética, análisis bioinformático aplicado al cáncer y microbiología.

Personal docente: por concretar

Horario tentativo:

	Lunes 20		Martes 21	
9.30h-10h	<i>Presentación y bienvenida</i>	Módulo I		Módulo II
10h-10.30h	NGS – Introducción a la técnica		Caso práctico (I)	
10.30h-11.00h				
11h-11.30h	Descanso		Descanso	
11.30h-12h			Caso práctico (II)	
12h-12.30h	Alineamiento , Variant Calling y Anotación funcional			
12.30h-13h				
13h-13h				
13.30h-14h	Comida		Comida	
14h-14.30h				
14.30h-15h	Control de Calidad		RNA-Seq	Módulo III
15h-15.30h	Tipos de estudios para diagnóstico: Exoma (<i>Tríos</i>) y panel de genes		Microbiología Clínica	
16h-16.30h	Descanso			
16.30h-17h				
17h-17.30h	<i>Introducción linux</i>	Módulo II		
17.30h-18h				