

INGEMM Programa Docente

2007-2017



INGEMM



Programa de Formación Externo en Tecnologías Genómicas del INGEMM Año 2017

1.- CURSO DE MICROARRAYS EN GENÉTICA MÉDICA E INVESTIGACIÓN

Fecha: 12-16 junio 2017**Lugar:** INGEMM

Objetivo del curso: Dirigido a personal médico y sanitario e investigadores en áreas aplicadas en la salud con el objeto de:

Introducción al uso de microarrays (de CGH y SNPs) en genética médica como herramienta diagnóstica e investigación en el ámbito prenatal y postnatal.

Introducción al manejo de bases de datos y programas de análisis.

Introducción a la clasificación e interpretación de CNVs (copy number variations).

Pautas para la elaboración de un informe de microarrays en el ámbito clínico e investigación.

Directores del Curso: Dres. María de los Ángeles Mori, María Palomares, Pablo Lapunzina y Julián Nevado

Contacto y Preinscripción: jnevado@salud.madrid.org con breve CV.

Modalidades: existen 2 modalidades de participación en el curso: **Módulo-1:** curso teórico-práctico (PLAZAS LIMITADAS; hasta 16 plazas); duración: 4 días completos. **Módulo-2:** curso teórico (análisis; hasta 60 plazas); duración: 2,5 días. Se requiere aportar ordenador portátil.

Pendiente de acreditación. Nota: i) los alumnos que asistan al módulo-1 tendrán la posibilidad de aportar un ADN* de su elección para realizar el estudio mediante arrayCGH (KaryoArray® 60K), analizar y obtener sus propios resultados. ii) la admisión en el curso se realizará por estricta confirmación de pago. iii) *mínima cantidad requerida 2 microgramos de ADN a una concentración de 100 ng/microl (que serán enviados al INGEMM antes del inicio del curso).

Coste: Módulo completo teórico-práctico: 450 euros; Módulo teórico (Análisis): 350 euros.

Forma de Pago: Para el pago del curso deberá descargarse de la página web www.idipaz.es el boletín de inscripción y enviar el mismo cumplimentado a jesusgaspar.idipaz@gmail.com. En dicho boletín figura el número de cuenta bancaria al que deben hacerse las transferencias para la inscripción. Se debe hacer constar el módulo seleccionado, así como el nombre del participante.

TEMARIO: Bloque 1: Introducción del curso y de los microarrays: Técnicas de análisis genético; Síndromes de microdelección/microduplicación; ¿Qué es un array de CGH y un array de SNPs? Fundamento teórico. Ventajas y limitaciones; Indicaciones principales de los arrays (DI y MC postnatal, prenatal); Consentimiento informado; Diseños comerciales y personalizados; Copy Number Variants; Clasificación e interpretación. Validación; Introducción a las bases de datos para interpretación de resultados (UCSC genome browser, DECIPHER, CLinGen).

Bloque 2: Análisis e interpretación de datos de arrays de CGH y de SNPs: Softwares para el análisis de arrays-CGH y de SNPs; Análisis e interpretación de casos postnatales; Análisis e interpretación de casos prenatales.; Análisis e interpretación de casos oncohematológicos.; Identificación de mosaicos; Análisis e interpretación de casos con LOH, UPD mediante arrays de SNPs; Hallazgos incidentales. CNVs de susceptibilidad; Elaboración del informe.

Personal docente: Dres. María de los Ángeles Mori, Isabel Vallcorba, María Palomares, Julián Nevado y Pablo Lapunzina.

Personal de prácticas: Carolina Peña, Pilar Barruz y Héctor González-Pecellín.